

Supplementary Table 5. Differentially abundant OTUs in mice

OTU (GreenGenes v.13.8)	taxonomy (blue: more in CTRL, red: more in MS)
461524	k_Bacteria; p_Actinobacteria; c_Coriobacteriia; o_Coriobacteriales; f_Coriobacteriaceae; g_ ; s_
199403	k_Bacteria; p_Actinobacteria; c_Coriobacteriia; o_Coriobacteriales; f_Coriobacteriaceae; g_Adlercreutzia; s_
465433	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_Rikenellaceae; g_ ; s_
4449518	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_Rikenellaceae; g_ ; s_
173852	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_S24-7; g_ ; s_
276509	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_S24-7; g_ ; s_
197038	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_S24-7; g_ ; s_
194709	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_S24-7; g_ ; s_
196733	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_S24-7; g_ ; s_
134762	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_S24-7; g_ ; s_
206324	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_S24-7; g_ ; s_
176760	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_S24-7; g_ ; s_
3231096	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_S24-7; g_ ; s_
264734	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_S24-7; g_ ; s_
174004	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_S24-7; g_ ; s_
193038	k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Bacteroidia; o_Bacteroidales; f_S24-7; g_ ; s_
181589	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Bacilli; o_Bacillales; f_Staphylococcaceae; g_Staphylococcus; s_equorum
4312974	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Bacilli; o_Bacillales; f_Staphylococcaceae; g_Staphylococcus; s_succinus
588755	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Bacilli; o_Lactobacillales; f_Enterococcaceae; g_Enterococcus; s_
197706	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
177742	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
259846	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
268063	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
323614	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
264155	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
356073	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
628218	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
331747	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
259631	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
342786	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
259556	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
318818	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
258232	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
319219	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
450399	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
250270	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
839215	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
337494	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
174770	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
173739	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
130335	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
228043	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
175193	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
177195	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
322776	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
337336	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
163997	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
192777	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
174824	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
175758	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
332865	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
320490	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
189476	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
314963	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
321195	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
1857626	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
176957	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
194662	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
537548	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_ ; g_ ; s_
342504	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Clostridiaceae; g_ ; s_
3576174	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Clostridiaceae; g_ ; s_
319708	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Clostridiaceae; g_SMB53; s_
314374	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Dehalobacteriaceae; g_Dehalobacterium; s_
274136	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
296041	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
354800	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
303479	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
191878	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
790663	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
214835	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
334619	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
259912	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
262104	k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_

258169	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
658370	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
305177	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
312062	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
352022	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
260666	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
334751	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
268620	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
173892	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
759751	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
4045882	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
317740	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
362539	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
366797	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
533969	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_ ; s_
336872	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_[Ruminococcus]; s_gnavus
273776	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_[Ruminococcus]; s_gnavus
330116	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_[Ruminococcus]; s_gnavus
279107	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_Anaerostipes; s_
195189	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_Coprococcus; s_
192878	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae; g_Coprococcus; s_
273657	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Peptococcaceae; g_rc4-4; s_
263895	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Peptococcaceae; g_rc4-4; s_
97263	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
263252	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
275061	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
209845	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
353982	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
185923	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
261132	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
1111580	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
462727	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
309720	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
1111782	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
273648	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
110060	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
188348	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
4430499	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
188225	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
230421	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
334267	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
317135	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
179201	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_ ; s_
311961	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Anaerotruncus; s_
339087	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Faecalibacterium; s_prausnitzii
198194	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
187807	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
273724	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
274083	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
313274	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
581933	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
367176	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
277588	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
312455	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
182033	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
297111	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
274297	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
335550	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
1504042	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
304777	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
359120	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Oscillospira; s_
178480	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Ruminococcus; s_
238487	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Ruminococcus; s_
591635	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Clostridia; o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae; g_Ruminococcus; s_
145801	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Erysipelotrichi; o_Erysipelotrichales; f_Erysipelotrichaceae; g_ ; s_
830080	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Erysipelotrichi; o_Erysipelotrichales; f_Erysipelotrichaceae; g_ ; s_
548587	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Erysipelotrichi; o_Erysipelotrichales; f_Erysipelotrichaceae; g_[Eubacterium]; s_dolichum
274912	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Erysipelotrichi; o_Erysipelotrichales; f_Erysipelotrichaceae; g_Allobaculum; s_
258421	k	Bacteria; p_Firmicutes; c_Erysipelotrichi; o_Erysipelotrichales; f_Erysipelotrichaceae; g_Allobaculum; s_
4425571	k	Bacteria; p_Proteobacteria; c_Gammaproteobacteria; o_Enterobacteriales; f_Enterobacteriaceae; g_ ; s_
4384058	k	Bacteria; p_Proteobacteria; c_Gammaproteobacteria; o_Enterobacteriales; f_Enterobacteriaceae; g_Salmonella; s_
178331	k	Bacteria; p_Verrucomicrobia; c_Verrucomicrobiae; o_Verrucomicrobiales; f_Verrucomicrobiaceae; g_Akkermansia; s_muciniphila
359376	k	Bacteria; p_Verrucomicrobia; c_Verrucomicrobiae; o_Verrucomicrobiales; f_Verrucomicrobiaceae; g_Akkermansia; s_muciniphila
193829	k	Bacteria; p_Verrucomicrobia; c_Verrucomicrobiae; o_Verrucomicrobiales; f_Verrucomicrobiaceae; g_Akkermansia; s_muciniphila